

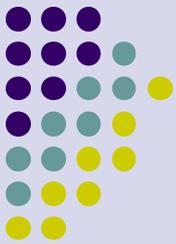
Летняя молодежная школа

“Разработка параллельных приложений для петафлопсных вычислительных систем”,

26 июня - 3 июля 2011 года,

НОЦ “Суперкомпьютерные технологии”,

МГУ имени М.В.Ломоносова



Разработка эффективных параллельных алгоритмов  
с использованием технологий Интел.

Параллельные алгоритмы спектрального анализа

Панкратов Антон Николаевич

# Особенности архитектуры, которые необходимо учитывать



Кэш,

Конвейеризация вычислений,

Векторизация вычислений (Intel® IPP, MKL)

Многоядерность (OpenMP)

# Обобщенный спектрально-аналитический метод



Вычисление  
коэффициентов  
разложения  
функции

Восстановление  
функции по  
коэффициентам  
разложения

Алгебра  
спектральных  
преобразований



# Приложения

- Распознавание повторов в геномах и белках
- Аналитическое описание плоских и пространственных кривых, распознавание образов
- Обработка данных магнитной энцефалографии
- Обработка метеорологических данных
- Анализ данных ЯМР высокого разрешения, рентгеноструктурный анализ



# Коэффициенты разложения

- Коэффициенты разложения по ортогональной на  $[a; b]$  с весом  $\rho(t)$  системе полиномов  $\{u_k(t)\}$  :

$$C_k = \int_a^b f(t)u_k(t)\rho(t) dt$$

- Определенные интегралы вычисляются с помощью соответствующих квадратурных формул Гаусса:

$$\int_a^b g(t)\rho(t) dt \approx \sum_{i=1}^N w_i g(t_i)$$

# Как получать значения полиномов?



- Рекуррентное соотношение

$$U_{m+1}(t) = (A_m t + B_m)U_m(t) + U_{m-1}(t)$$

```
p2 = t;  
p1 = 1;  
u[0] = 1.0;  
for (m = 1; m < N; m++) {  
    p3 = p2;  
    p2 = p1;  
    p1 = 2*t*p2 - p3;  
    u[m] = p1;  
}
```

*Такой цикл  
не может быть  
распараллелен!*

# Сохранять ли значения полиномов?





# Матричный подход

Если  $A = (a_{ij})$  матрица значений полиномов:

$$a_{ij} = u_j(t_i), i = 1, \dots, N; j = 1, \dots, M$$

то вычисление коэффициентов разложения  
есть умножение матрицы на вектор-столбец  
взвешенных значений:

где

$$c = Af^t$$

$$f = (f_1, \dots, f_N); f_i = w_i f(t_i)$$



# Матричный подход

- + вычисления выполняются заранее
  - + возможность «включить» оператор интерполяции с одной сетки на другую
  - + задача сводится к линейной алгебре
  - интенсивное потребление памяти
- 
- накладные расходы на доступ к памяти при работе на SMP-системах

# Вычисление значений полиномов «на месте»



- + экономия памяти
  - + эффективное использование кэша
  - + эффективное распараллеливание на SMP-системах
- 
- повторяющиеся вычисления

# Распараллеливание матричного алгоритма



```
#pragma omp parallel for  
for(k = 0; k < m; k++) {  
    for(i = 0; i < n; i++) {  
        c[k] += f[i]*a[k*n+i];  
    }  
}
```

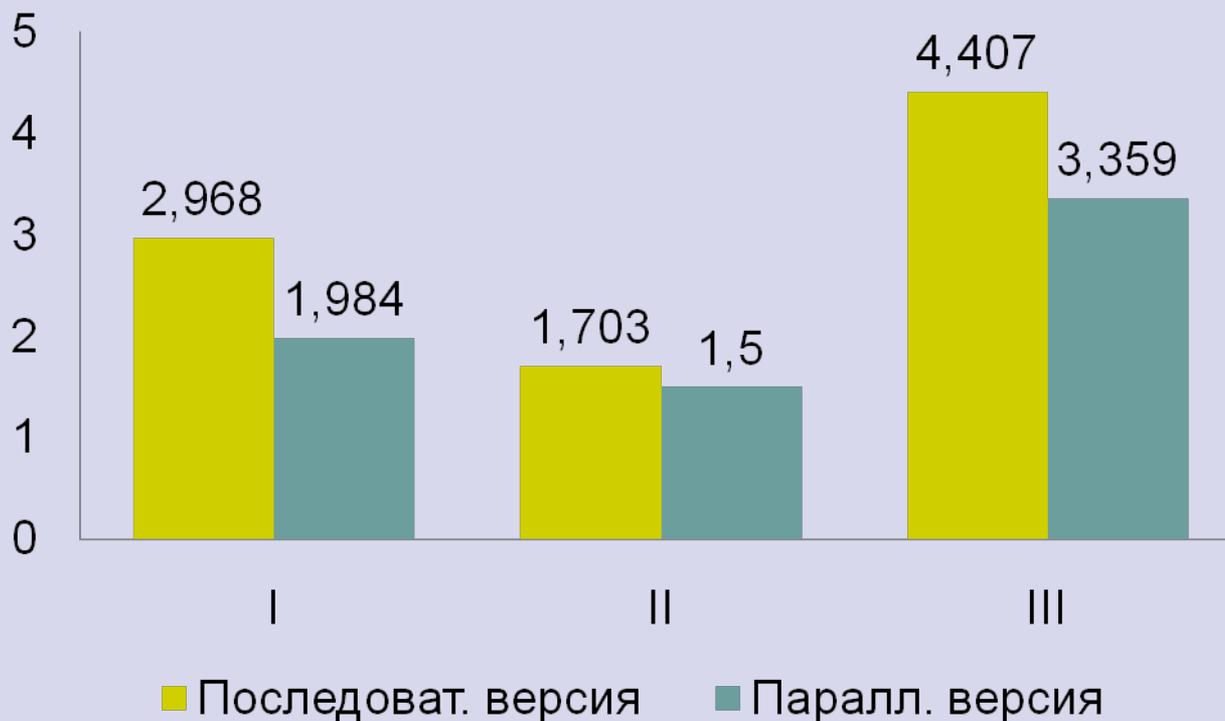
или в векторном виде (Matlab)

$c = A * f'$

# Распараллеливание матричного алгоритма



Время выполнения теста (сек)



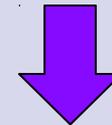
# Распараллеливание «рекуррентного» алгоритма



```
#pragma omp parallel for reduction(c:+)
```

```
for(i = 0; i < n; i++) {  
    p2 = 1.0;  
    p1 = t[i];  
    c[0] += y[i];  
    for (j = 1; j < m; j++) {  
        p3 = p2;  
        p2 = p1;  
        p1 = 2*t[i]*p2-p3;  
        c[j] += y[i]*p1;  
    }  
}
```

*Каждый узел  
квадратурной сетки  
вносит вклад  
во все коэффициенты*



*Внешний цикл нельзя  
распараллелить*

# Распараллеливание «рекуррентного» алгоритма



```
#pragma omp parallel for reduction(c:+)
```

```
for(i = 0; i < n; i++) {  
    p2 = 1.0;  
    p1 = t[i];  
    c[0] += y[i];  
    for (j = 1; j < m; j++) {  
        p3 = p2;  
        p2 = p1;  
        p1 = 2*t[i]*p2-p3;  
        c[j] += y[i]*p1;  
    }  
}
```

*Каждый узел  
квадратурной сетки  
вносит вклад  
во все коэффициенты*



*Внешний цикл нельзя  
распараллелить*

# Распараллеливание «рекуррентного» алгоритма



```
#pragma omp parallel sections num_threads(2)  
{  
    #pragma omp section  
    {  
        cheb1_expand(t, y, N, 0, N/2, c1, m);  
    }  
    #pragma omp section  
    {  
        cheb1_expand(t, y, N, N/2, N, c2, m);  
    }  
}  
for (k = 0; k < m; k++) { c[k] = c1[k] + c2[k]; }
```

*Распараллеливание  
«вручную»  
по узлам сетки*

# Векторизация «рекуррентного» алгоритма



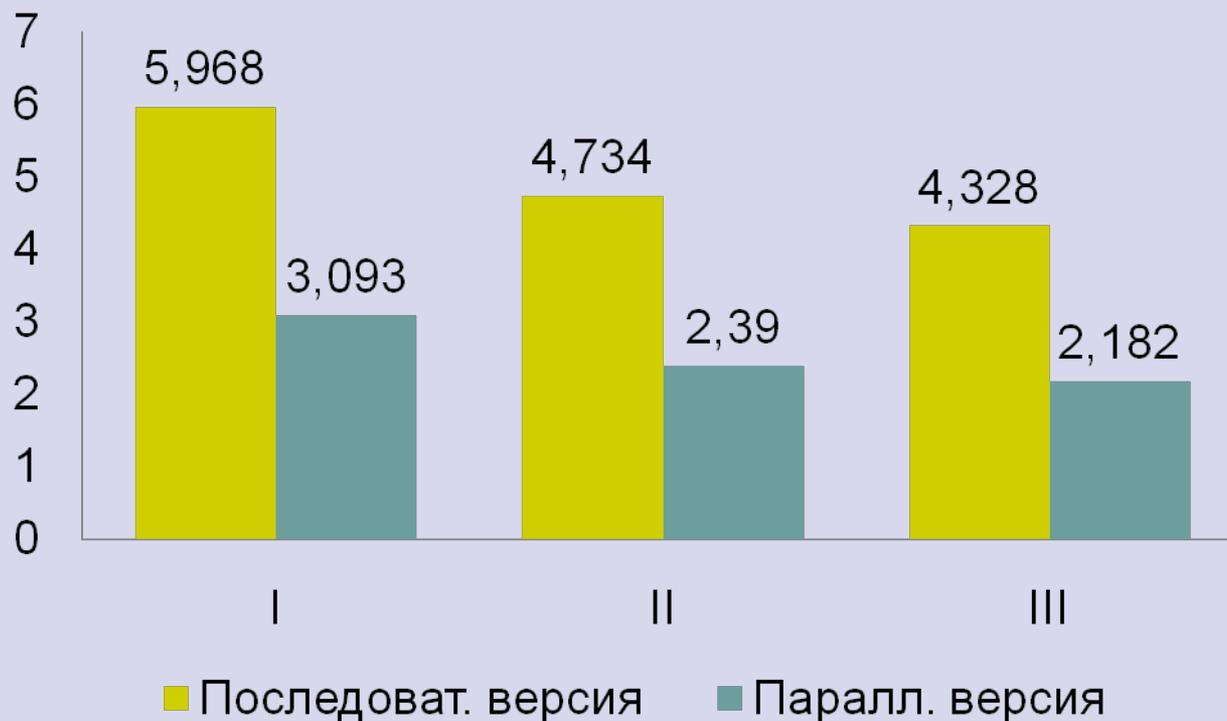
```
for i = 1:k
    p1 = f;
    p2 = t.*f;
    c(1) = sum(p1);
    for j = 2:m
        p3 = p2;
        p2 = p1;
        p1 = 2*t.*p2-p3;
        c(j) = c(j) + sum(p1);
    end
end
```

Необязательный  
внешний цикл  
обусловлен  
дополнительной  
нарезкой сетки  
в случае  
фиксированной  
глубины векторизации

# Распараллеливание «рекуррентного» алгоритма



Время выполнения теста (сек)



# Сравнение



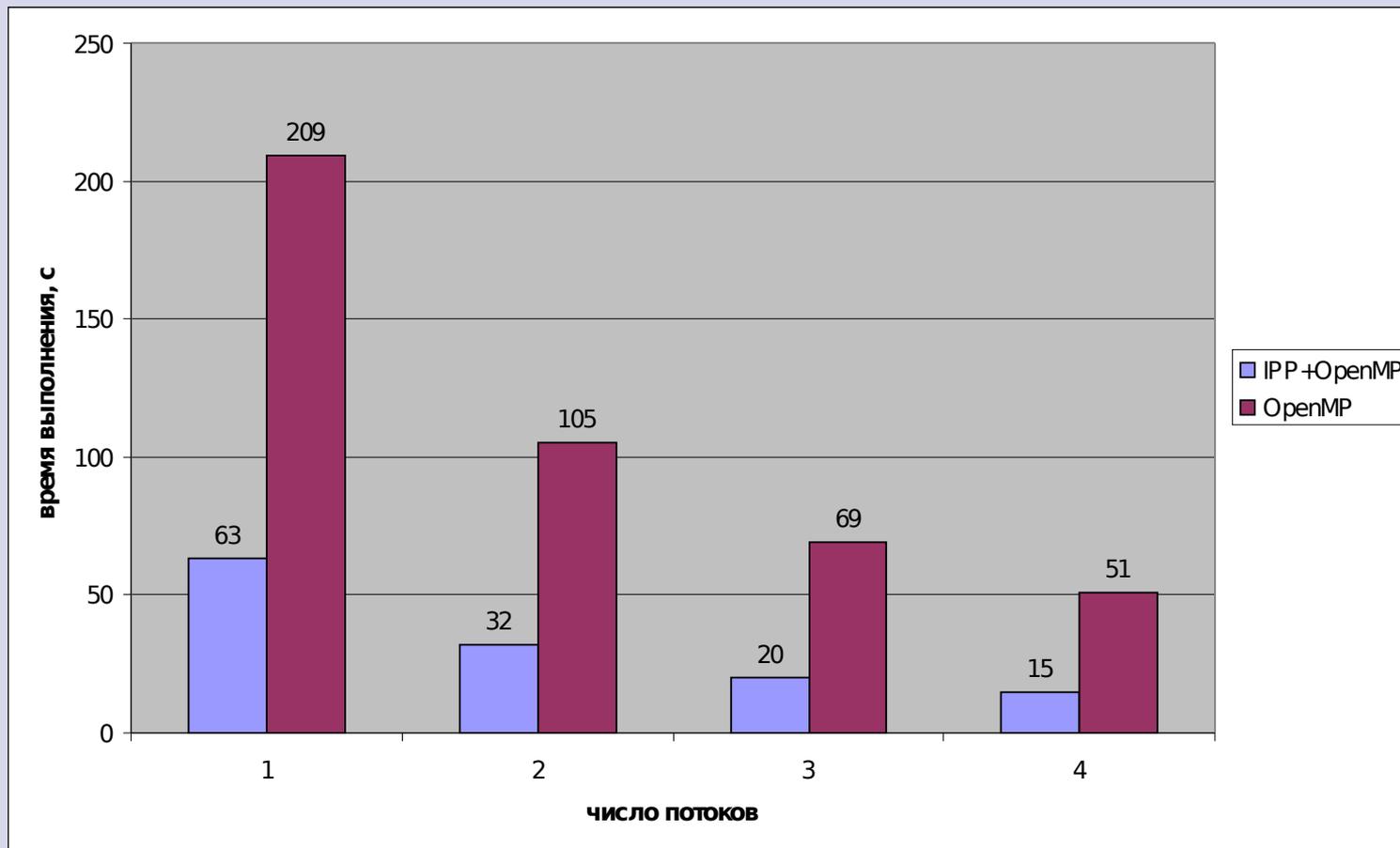
- Получены параллельные версии для процедур разложения функций по ортогональным полиномам
- Проведены сравнительные тесты матричного и «рекуррентного» алгоритмов на двухъядерных машинах
- Распараллеливание матричного алгоритма позволило не более, чем в 1,5 раза ускорить вычисления
- Распараллеливание «рекуррентного» алгоритма позволило в 2 раза ускорить вычисления
- Однако то, какой из алгоритмов: матричный или «рекуррентный» – эффективнее в абсолютном выражении, зависит от архитектуры ЭВМ

# Алгоритмы вычисления коэффициентов разложения

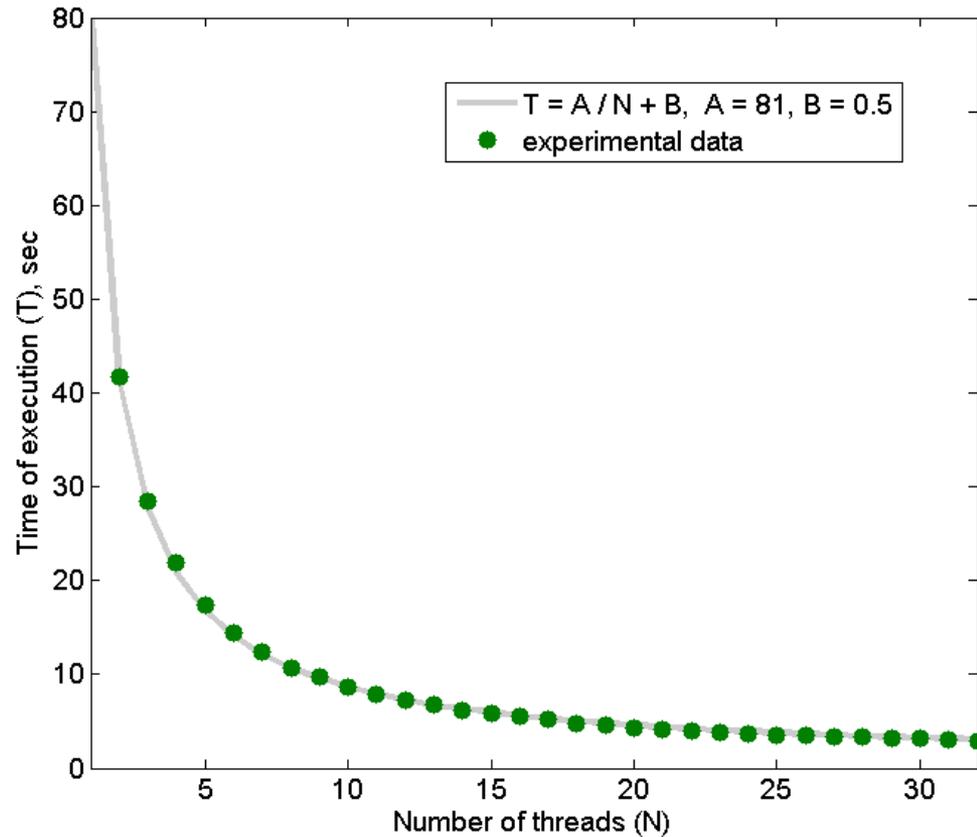


- Матричный
- Рекуррентный
- Векторно-рекуррентный
- Векторно-рекуррентный с фиксированной глубиной векторизации
- Быстрое преобразование Фурье (только тригонометрические функции, встроено практически во все библиотеки)

# Использование векторизации и многоядерности



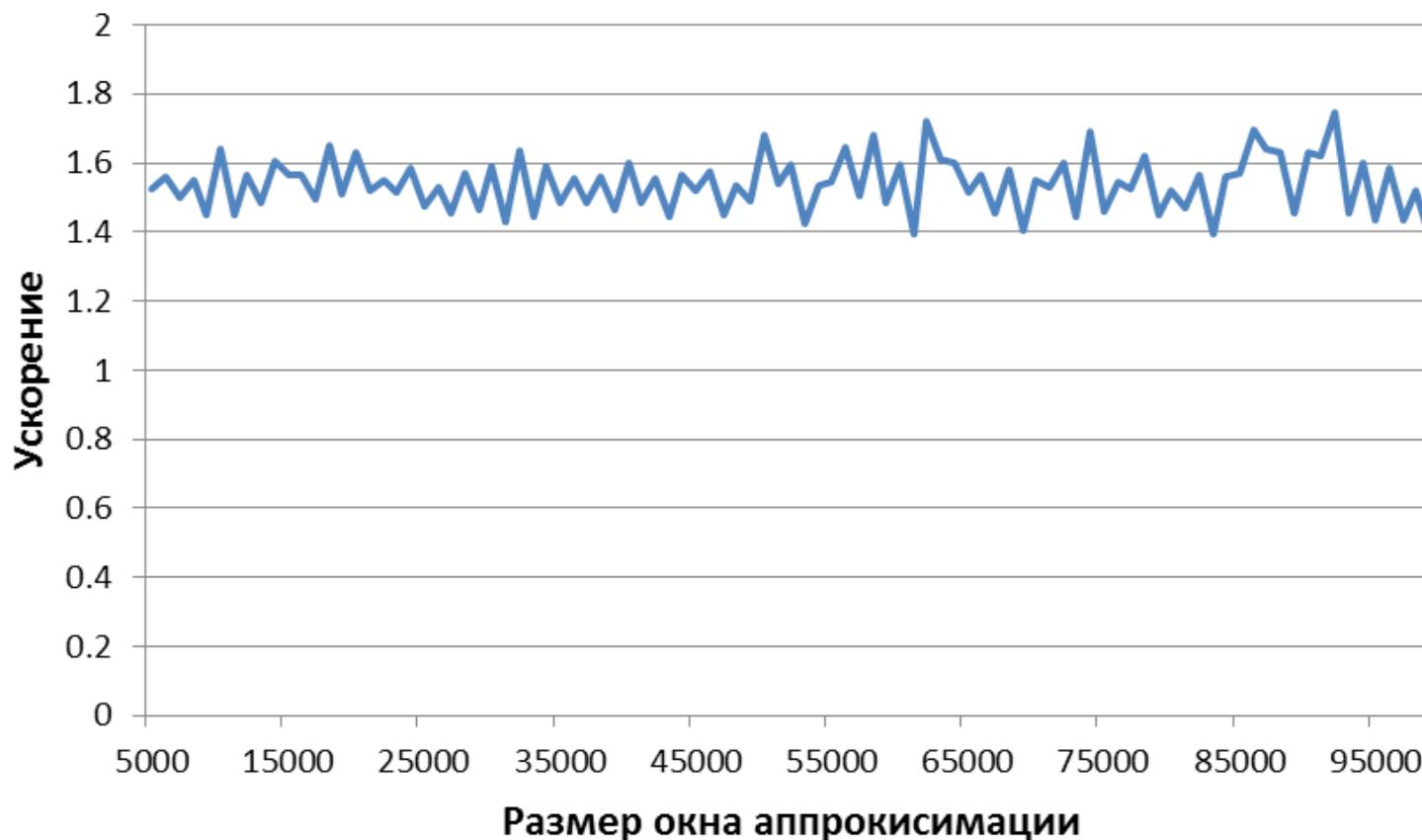
# Intel MTL: 32-х ядерная архитектура



# GPU vs CPU: однородность при изменении параметра



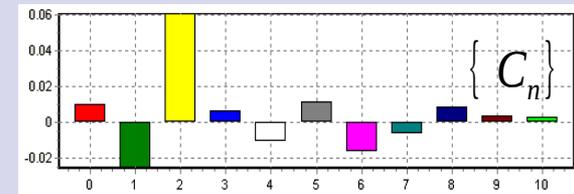
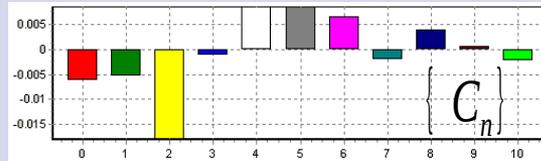
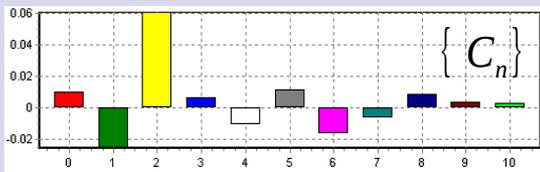
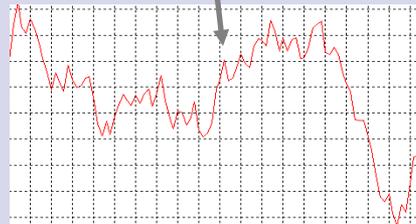
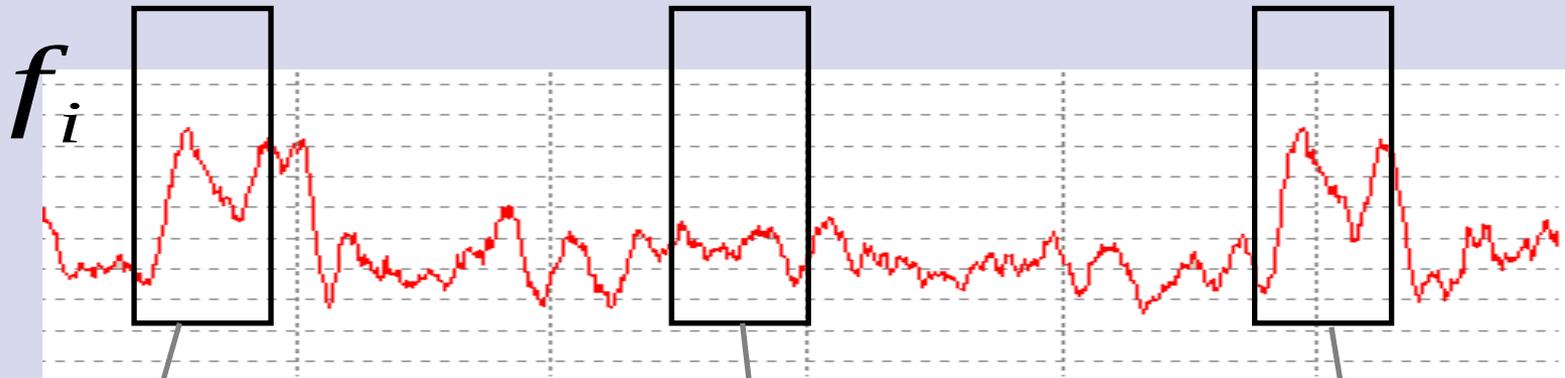
Tesla S2050, глобальная память GPU



# Поиск повторов в текстовых последовательностях

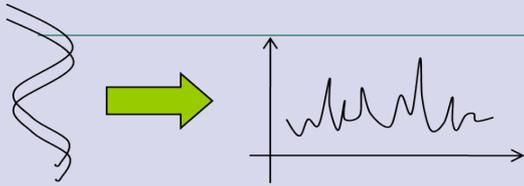


...ATGCGCATTCTCTGCCTGCATAAATCGCCGTATAAACCGCTACAATGCTACTGC...



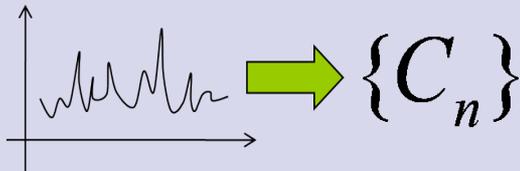


# Алгоритм распознавания повторов



Перевод текстовой последовательности в непрерывную функцию

$w1$ , окно частоты содержания букв



Спектральное индексирование последовательности

$w2$ ,  $dw2$   
Окно и сдвиг окна аппроксимации

$$\theta(\{C_n\}, \{C'_n\}) < \varepsilon$$

Построение решающего правила

$N$ , число коэффициентов разложения

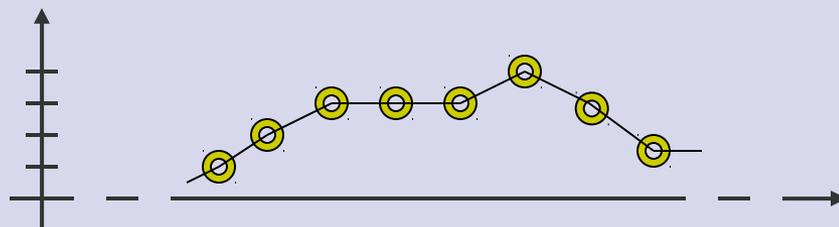
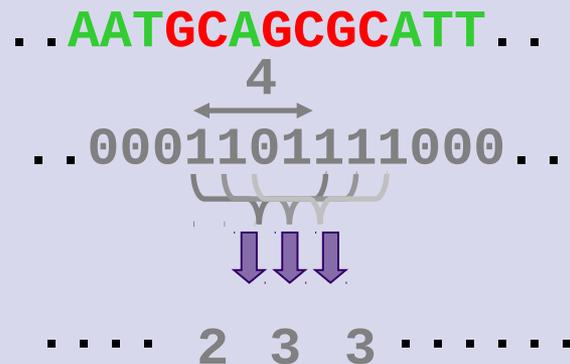
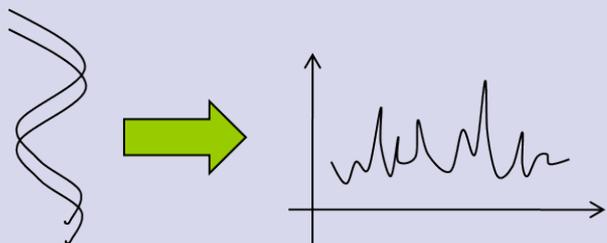


Отображение результатов на матрице спектральной гомологии



# Шаг 1. Статистические профили текстовых последовательностей

Для однозначного представления текстовой последовательности в алфавите  $N$  букв требуется  $\log_2 N$  профилей

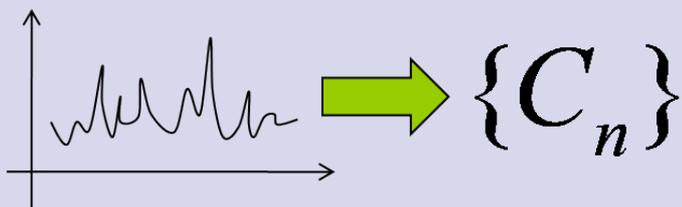


# Шаг 2. Спектральное представление



Разложение профилей содержания  $f_i$  по ортогональным функциям  $\{\varphi_n\}$

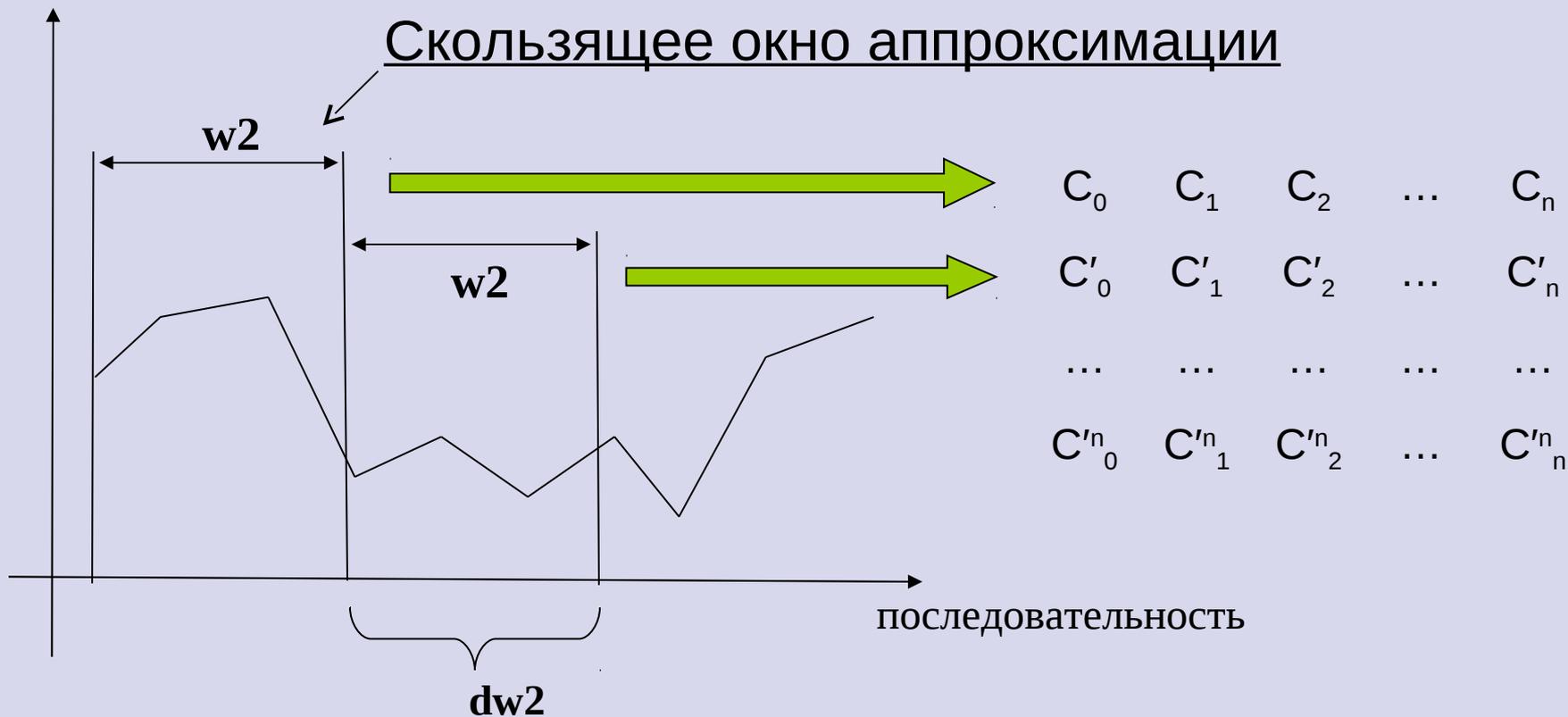
$$f_i^{(G,C)} \approx \sum_{n=0}^N C_n \varphi_n(x_i)$$

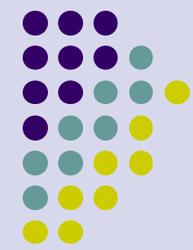




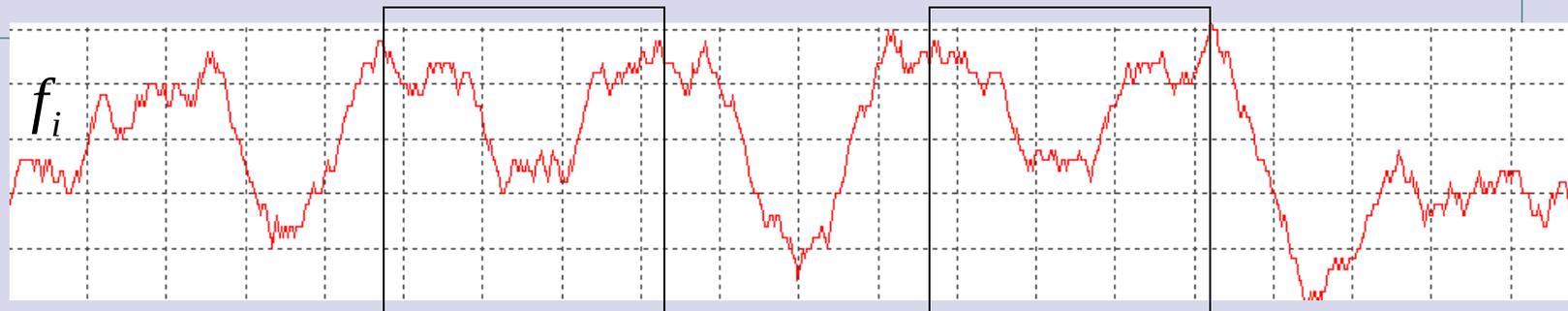
# Спектральное индексирование

профиль



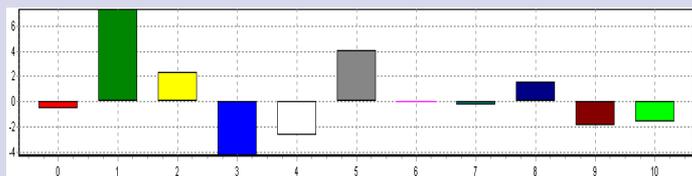


# Поиск инвертированных повторов



$$\begin{cases} \varphi_n(x) = \varphi_n(-x); & n = 2k \\ \varphi_n(x) = -\varphi_n(-x); & n = 2k+1 \end{cases}$$

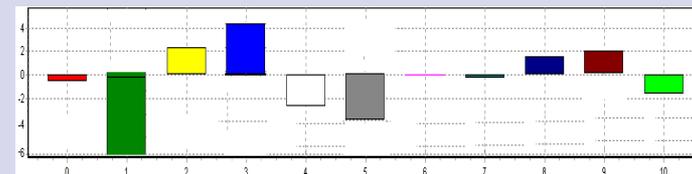
$$f^*(x) = f^{**}(-x)$$



$\{C_n\}$



$$\begin{cases} C_{2k}^* = C_{2k}^{**} \\ C_{2k+1}^* = -C_{2k+1}^{**} \end{cases}$$



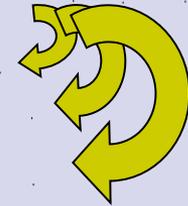
$\{C_n\}$

# Шаг 3. Определение решающего правила



$$\theta(\{C_n\}, \{C'_n\}) < \varepsilon$$

$C_0$	$C_1$	$C_2$	...	$C_n$
$C'_0$	$C'_1$	$C'_2$	...	$C'_n$
...	...	...	...	...
$C'^n_0$	$C'^n_1$	$C'^n_2$	...	$C'^n_n$



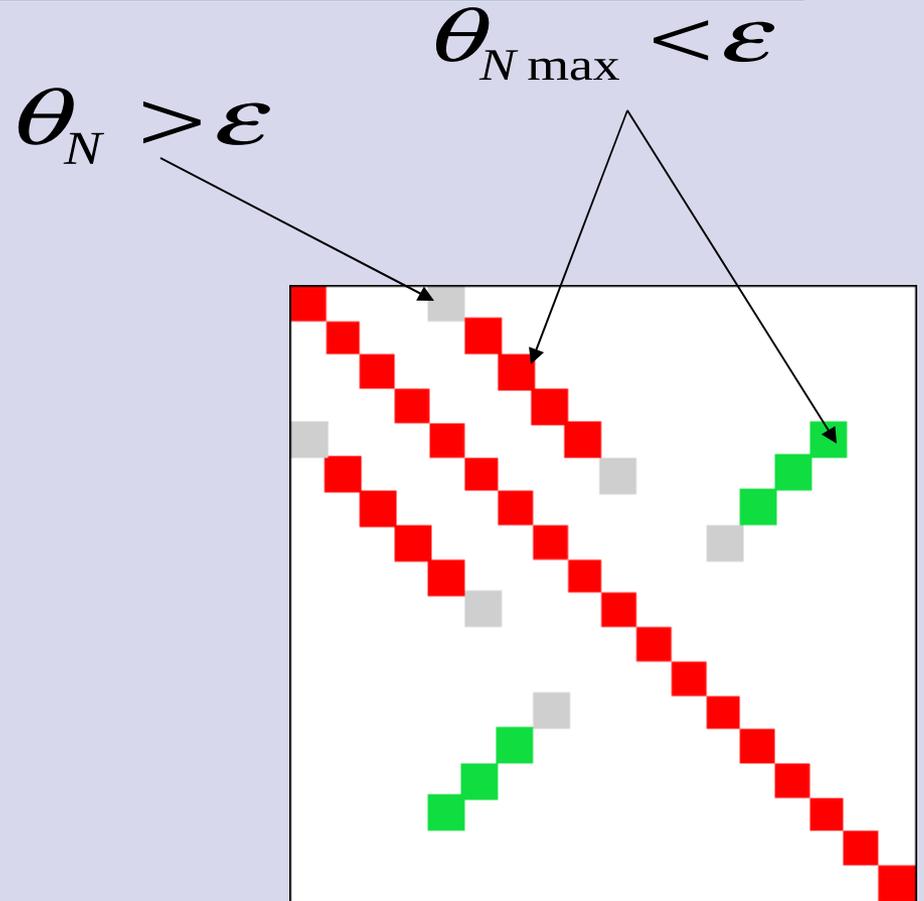
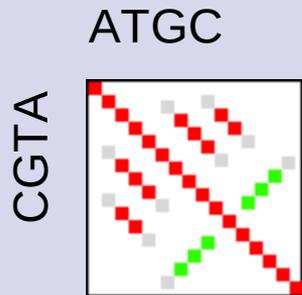
$$\theta = \frac{\|f - g\|}{\|f\| + \|g\|} \quad 0 \leq \theta \leq 1$$

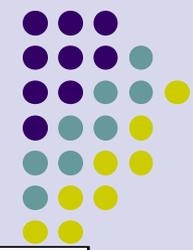

$$\theta_N = \frac{\left\| \sum_{n=0}^N A_n \varphi_n - \sum_{n=0}^N B_n \varphi_n \right\|}{\left\| \sum_{n=0}^{N_{\max}} A_n \varphi_n \right\| + \left\| \sum_{n=0}^{N_{\max}} B_n \varphi_n \right\|}$$


$$\theta_N \leq \theta_{N+1} < \varepsilon$$

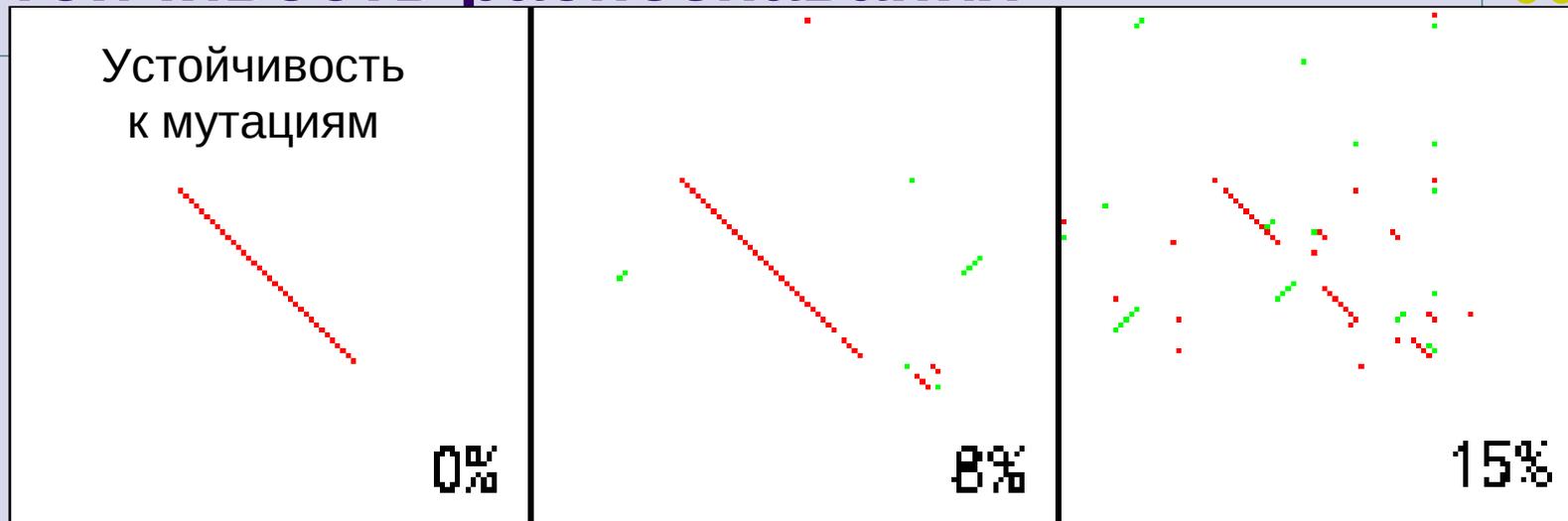
Метрика монотонна по числу коэффициентов

# Шаг 4. Построение матрицы спектральной гомологии

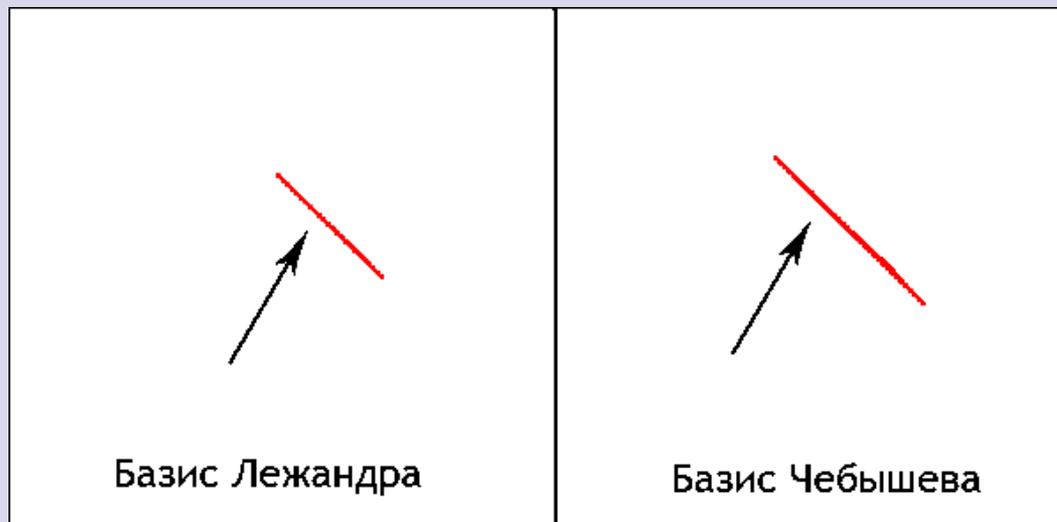




# Устойчивость распознавания



Выбор базиса



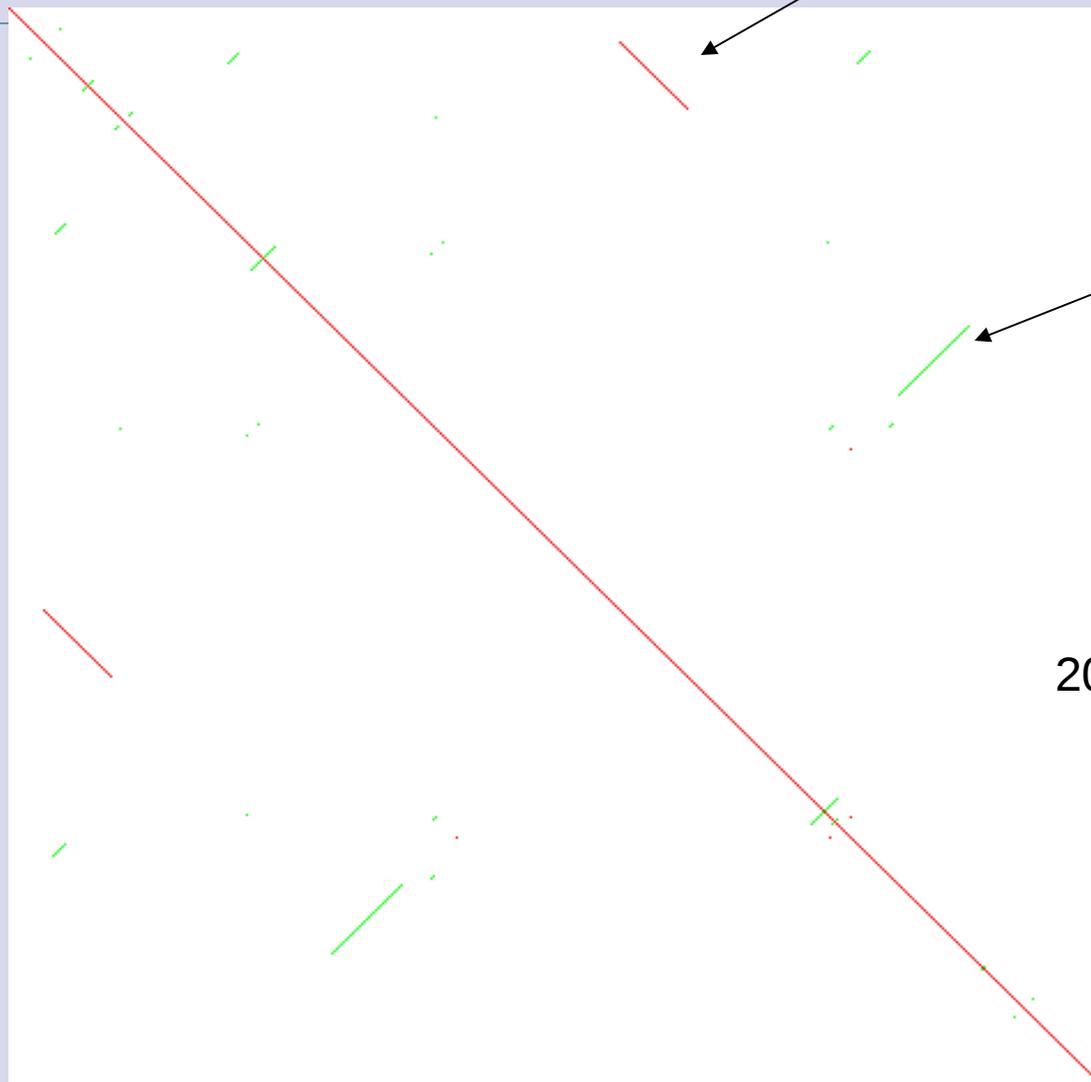
# Обучение алгоритма на тестовой последовательности



Прямой повтор

Инвертированный повтор

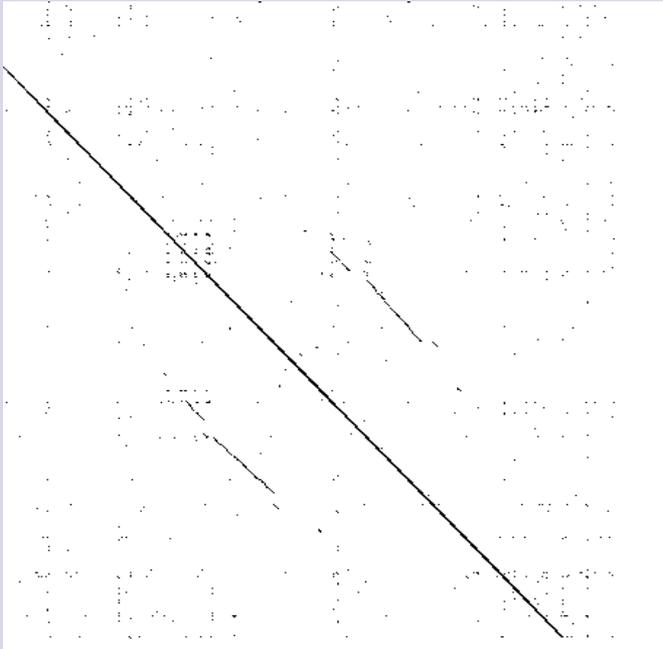
20 % мутаций



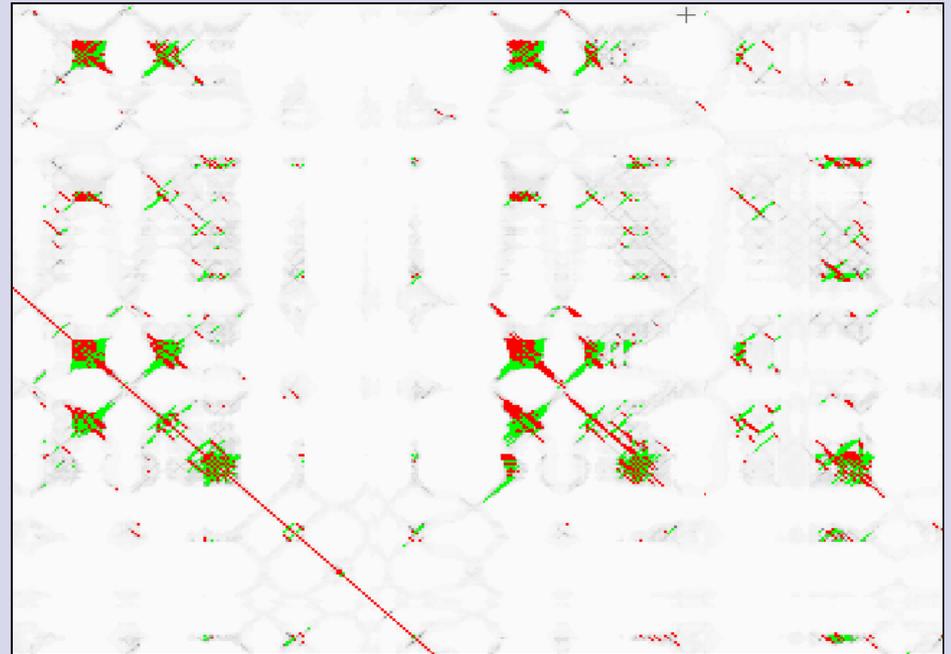


# Сравнение точечной и спектральной матрицы гомологии

Точечная (OWEN)



Спектральная



$w_2 = 5000$

$N = 50$



# Распределенная система сравнения геномов

Получение ДНК-профиля

Параллельное преобразование ДНК-профиля  
в спектральное представление

$C_n$

$A_n$

$B_n$

Матрица индексов

Параллельное сравнение спектров

$$\theta(\{C_n\}, \{A_n\}) < \varepsilon$$

$$\theta(\{A_n\}, \{B_n\}) < \varepsilon$$

$$\theta(\{C_n\}, \{B_n\}) < \varepsilon$$

# Матрица гомологии: поиск мегасателлитных повторов

